

**FORMATO EUROPEO
PER IL CURRICULUM
VITAE**



INFORMAZIONI PERSONALI

Nome

MIRCO DINDO

Indirizzo

VIA B. BARBARANI 5, CASTEL D'AZZANO (VR) CAP 37060

Telefono

+39 345 7820389

Fax

E-mail

mirco.dindo88@gmail.com, mirco.dindo@unipg.it, mirco.dindo@oist.jp

Nazionalità

ITALIANA

Data di nascita

22/03/1988

ESPERIENZA LAVORATIVA

• Date (da – a)

30/05/2022-Attualmente

Ricercatore di tipo B (RTD-B)

• Nome e indirizzo del datore di lavoro

Università degli Studi di Perugia, Dipartimento di Medicina e Chirurgia, P.le L Severi 1, 06132, Perugia, Italia

• Tipo di azienda o settore

Attività di Didattica Ricerca Scientifica

• Tipo di impiego

Attività di Didattica e Attività di ricerca

• Principali mansioni e responsabilità

Esperimenti su enzimi PLP dipendenti. Ricerca di possibili piccole molecole utilizzando tecniche bioinformatiche e valutazione del legame proteina-inibitore attraverso l'utilizzo di tecniche spettroscopiche. Studio cinetico e strutturale di enzimi PLP dipendenti.

• Date (da – a)

01/10/2021-27/05/2022

STAFF SCIENTIST

• Nome e indirizzo del datore di lavoro

Okinawa Institute of Science and Technology Graduate University (OIST) 1919-1 Tancha, Onna, Kunigami District, 904-0495, Okinawa, Giappone

• Tipo di azienda o settore

Ricerca Scientifica

• Tipo di impiego

Attività di ricerca

• Principali mansioni e responsabilità

Set-up di un nuovo sistema per la produzione di cellule artificiali e studio delle caratteristiche funzionali degli enzimi all'interno di queste cellule artificiali. Analisi di come le proprietà biochimiche influenzano le proprietà fisiche del sistema e viceversa. Analisi evoluzionistica dell'alanina:gliossilato aminotransferasi, enzima PLP dipendente, nella quale sono stati effettuati esperimenti di bioinformatica, ingegneria proteica e biologia cellulare per determinare come regioni disordinate siano state conservate durante l'evoluzione dell'allele minore.

• Date (da – a)

01/10/2019-30/09/2021

ASSEGNISTA DI RICERCA (JSPS post-doctoral scholar)

• Nome e indirizzo del datore di lavoro

Okinawa Institute of Science and Technology Graduate University (OIST) 1919-1 Tancha, Onna, Kunigami District, 904-0495, Okinawa, Giappone

• Tipo di azienda o settore

Ricerca Scientifica

• Tipo di impiego

Attività di ricerca

• Principali mansioni e responsabilità	Set-up di un nuovo sistema per la produzione di cellule artificiali e studio delle caratteristiche funzionali degli enzimi all'interno di queste cellule artificiali. Analisi di come le proprietà biochimiche influenzano le proprietà fisiche del sistema e viceversa. Analisi evoluzionistica dell'alanina:gliossilato aminotransferasi, enzima PLP dipendente, nella quale sono stati effettuati esperimenti di bioinformatica, ingegneria proteica e biologia cellulare per determinare come regioni disordinate siano state conservate durante l'evoluzione dell'allele minore.
• Date (da – a)	01/03/2019-30/09/2019
• Nome e indirizzo del datore di lavoro	ASSEGNISTA DI RICERCA (Post-doc) Okinawa Institute of Science and Technology Graduate University (OIST) 1919-1 Tancha, Onna, Kunigami District, 904-0495, Okinawa, Giappone
• Tipo di azienda o settore • Tipo di impiego	Ricerca Scientifica Attività di ricerca
• Principali mansioni e responsabilità	Set-up di un nuovo sistema per la produzione di cellule artificiali e studio delle caratteristiche funzionali degli enzimi all'interno di queste cellule artificiali. Analisi di come le proprietà biochimiche influenzano le proprietà fisiche del sistema e viceversa. Analisi di come il crowding influenza l'attività catalitica degli enzimi all'interno di cellule sintetiche e produzione di microreattori basati su attività metabolica enzimatica.
• Date (da – a)	01/01/2018 – 22/02/2019
• Nome e indirizzo del datore di lavoro	ASSEGNISTA DI RICERCA, PER IL PROGETTO DAL TITOLO: SVILUPPO DI UNA TERAPIA FARMACOLOGICA PER LA PH1 BASATA SULL'UTILIZZO COMBINATO DI CHAPERONI FARMACOLOGICI E VITAMERI DELLA VITAMINA B6. Università degli Studi di Perugia, Dipartimento di Medicina Sperimentale, P.le L Severi 1, 06132, Perugia, Italia
• Tipo di azienda o settore • Tipo di impiego	Ricerca Scientifica Attività di Ricerca
• Principali mansioni e responsabilità	Esperimenti di inibizione enzimatica su enzimi PLP dipendenti utilizzando inibitori competitivi e altre categorie di inibitori enzimatici (possibili chaperoni farmacologici). Ricerca di possibili piccole molecole utilizzando tecniche bioinformatiche e valutazione del legame proteina-inibitore attraverso l'utilizzo di tecniche spettroscopiche. Studio cinetico e strutturale di enzimi PLP dipendenti (AroH, Aromatic aminotransferase) coinvolti nel metabolismo dell'aminoacido triptofano.
• Date (da – a)	01/01/2017 – 31/12/2017
• Nome e indirizzo del datore di lavoro	ASSEGNISTA DI RICERCA, per il progetto dal titolo: Approcci molecolari per lo studio di malattie rare associate ad enzimi PLP dipendenti. Università degli Studi di Verona, Dipartimento di Neuroscienze, Biomedicina e del Movimento, Strada le Grazie 8, 37134, Verona, Italia
• Tipo di azienda o settore • Tipo di impiego	Ricerca Scientifica Attività di Ricerca
• Principali mansioni e responsabilità	Studi strutturali (valutazione della struttura secondaria, terziaria e quaternaria, tendenza all'aggregazione) e funzionali (valutazione dei parametri cinetici) su enzimi PLP dipendenti il cui deficit causa malattie genetiche rare. Nel dettaglio sono state studiate mutazioni puntiformi su due diverse proteine: AGT (alanina:gliossilato aminotransferasi) e DDC (Dopa Decarbossilasi). Ingegnerizzazione dell'ossalato decarbossilasi, attraverso la preparazione di librerie di mutanti per migliorare la sua stabilità strutturale e le caratteristiche cinetiche in condizioni fisiologiche.
• Date (da – a)	17/02/2015 – 18/06/2015
• Nome e indirizzo del datore di lavoro	RESEARCH INTERN all'estero per 4 mesi durante il dottorato Weizmann Institute of Science, Rehovot, Israel
• Tipo di azienda o settore • Tipo di impiego	Ricerca Scientifica Research Intern
• Principali mansioni e responsabilità	Preparazione e screening di librerie di mutanti per ricostruire la traiettoria evolutiva della proteina calcione isomerasi (CHI), produzione e caratterizzazione cinetica e strutturale delle varianti con elevata attività.
• Date (da – a)	01/01/2014 – 31/12/2016

- Nome e indirizzo del datore di lavoro
 - Tipo di azienda o settore
 - Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

- Date (da – a)

- Nome e indirizzo del datore di lavoro
 - Tipo di azienda o settore
 - Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

- Date (da – a)
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
 - Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio
 - Qualifica conseguita
- Livello nella classificazione nazionale (se pertinente)

- Date (da – a)

- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
- Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio
 - Qualifica conseguita
- Livello nella classificazione nazionale (se pertinente)

- Date (da – a)

- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
- Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio
 - Qualifica conseguita
- Livello nella classificazione nazionale (se pertinente)

- Date (da – a)

- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione

DOTTORATO DI RICERCA IN MEDICINA BIOMOLECOLARE, Curriculum BIOCHIMICA

Università degli Studi di Verona, Dipartimento di Neuroscienze, Medicina e del Movimento, Strada le Grazie 8, 37134, Verona, Italia

Ricerca Scientifica

Attività di Ricerca

Studio del processo di dimerizzazione di alanina:gliossilato aminotransferasi (AGT), importante per spiegare sia l'effetto del coenzima sulla struttura della proteina sia il suo effetto di chaperone su alcune mutazioni che causano misfolding della proteina. Studio meccanicistico del processo di aggregazione di AGT e delle varianti patogeniche più frequenti e analisi biochimiche funzionali e strutturali su varianti patogeniche che causano PH1.

01/07/2013 – 31/12/2013

TITOLARE DI BORSA DI STUDIO per il progetto dal titolo: **approcci biochimici per lo sviluppo di strategie terapeutiche per il trattamento della PH1**

Università degli Studi di Verona, Dipartimento di Scienze della Vita e della Riproduzione, Strada le Grazie 8, 37134, Verona, Italia

Ricerca Scientifica

Attività di Ricerca

Preparazioni di mutanti utilizzando la mutagenesi sito specifica e crescita e purificazione delle proteine ricombinanti. Valutazione del legame tra enzima e inibitori utilizzando tecniche spettroscopiche e analisi cinetiche su AGT wild type e varianti patogeniche usando inibitori tight-binding.

01/01/2014 – 31/12/2016

Università degli Studi di Verona, Dipartimento di Neuroscienze, Medicina e del Movimento, Strada le Grazie 8, 37134, Verona, Italia

DOTTORATO DI RICERCA in Medicina biomolecolare, Curriculum in Biochimica

2010-2013

Università degli Studi di Verona, Strada Le Grazie 15, Verona, Italia

LAUREA MAGISTRALE IN BIOINFORMATICA E BIOTECNOLOGIE MEDICHE

2007-2010

Università degli Studi di Verona, Strada Le Grazie 15, Verona, Italia

Abilitazione alla professione in tecniche di laboratorio biomedico

LAUREA TRIENNALE IN TECNICHE DI LABORATORIO BIOMEDICHE

2003-2007

Istituto Tecnico Enrico Fermi, Verona

- Principali materie / abilità professionali
oggetto dello studio
- Qualifica conseguita
- Livello nella classificazione nazionale
(se pertinente)

Maturità Scientifica, Tecnico di laboratorio Chimico-Biologico

MADRELINGUA

- Capacità di lettura
- Capacità di scrittura
- Capacità di espressione orale

ALTRE LINGUA

ULTERIORI INFORMAZIONI

ITALIANO

ECCELLENTE
ECCELLENTE
ECCELLENTE

INGLESE

ATTIVITA' DI RICERCA:

Nel corso della mia carriera universitaria mi sono occupato di ricerca di base in tematiche che vanno dalla biochimica, bioinformatica, biofisica, biologia molecolare, biologia sintetica e microscopia confocale.

Nel dettaglio, per quanto riguarda la biochimica, mi sono occupato di diversi aspetti dell'enzimologia, dalla caratterizzazione cinetica e strutturale di tre enzimi umani e delle loro varianti patogeniche (alanina:gliossilato aminotransferasi o AGT, Dopa Decarbossilasi o DDC e) utilizzando tecniche spettroscopiche, computazionali e cinetiche. Mi sono inoltre occupato di caratterizzare e studiare nel dettaglio interazione enzima-ligando (inibitore, substrato o coenzima). In particolare, l'interazione enzima-inibitore, attraverso tecniche di analisi cinetica e computazionale. Infatti, nel campo della bioinformatica, mi sono occupato dello studio dei possibili effetti delle mutazioni sulla struttura 3D delle proteine (modelling molecolare) studiando l'effetto di mutazioni sulla superficie della proteina, al sito attivo ma anche in altre regioni delle proteine. Mi sono inoltre occupato della generazione di modelli 3D di proteine e di docking molecolare (interazione proteina-ligando). Per quanto riguarda la biologia molecolare mi sono occupato di generare librerie di mutanti (ingegneria proteica) per alcune alcuni enzimi (calcone isomerasi, ossalato decarbossilasi e alanina:gliossilato aminotransferasi), utilizzando tecniche avanzate di biologia molecolare (rational engineering e directed evolution). Nel campo della biofisica mi sono occupato dello studio dal punto di vista strutturale delle proteine utilizzando tecniche spettroscopiche, come spettroscopia di assorbimento e in fluorescenza, dicroismo circolare e dynamic light scattering (DLS), che mi hanno permesso di studiare fenomeni come il misfolding e l'aggregazione di alcune proteine.

Negli ultimi anni ho cominciato anche a occuparmi di biologia sintetica, nello sviluppo di cellule artificiali. Il mio scopo principale è lo studio del "comportamento" enzimatico (funzionale e strutturale) all'interno di queste cellule artificiali, ottenute mediante liquid-liquid phase separation (LLPS). Questo ha portato di recente a sviluppare dettagliate conoscenze per la microscopia confocale per lo studio delle cellule sintetiche.

PARTECIPAZIONE A PROGETTI DI RICERCA

- 1- **OXALOSIS AND HYPEROXALURIA FOUNDATION.** Development of a small-molecule therapy for Primary Hyperoxaluria Type I based on the combined administration of B6 vitamers and pharmacological chaperones
Ruolo: Membro attivo
01/10/2017-30/09/2019
- 2- **ITALIAN MINISTRY OF UNIVERSITY AND RESEARCH (SIR PROJECT)** Erythrocytes as carriers of oxalate-degrading enzymes: an innovative approach for the treatment of Hyperoxaluria
Ruolo: Membro attivo
23/09/2015-22/09/2019
- 3- **AGILIS BIOTHERAPEUTICS-PTC.** Aromatic amino acid deficiency is strictly connected to pyridoxine-related seizures: a biochemical approach to gain insights into inherited neurotransmitters disorders
Ruolo: membro attivo
15/01/2017-15/01/2018
- 4- **UNIVERSITY OF VERONA, JOINT PROJECTS.** Biosynthetic activity of trophectoderm: new tools for embryo selection techniques in vitro
Ruolo: Membro attivo
01/01/2014-30/06/2016
- 5- **OXALOSIS AND HYPEROXALURIA FOUNDATION.** A combined biochemical and cell biology approach to improve the pharmacological treatment of PH1: from pyridoxine derivatives to proteostasis regulators
Ruolo: Membro attivo
01/10/2017-30/09/2019

FINANZIAMENTI PERSONALI

- 1- **KAKENHI EARLY CAREER SCIENTIST 2022** per la ricerca scientifica, finanziato per il seguente progetto: **Study of enzymes inside liquid liquid phase separated crowded droplets** 3,300,00 YEN Giapponesi- 28,000 Euro)
- 2- **GRANT-IN-AID dalla JSPS per la ricerca scientifica pari a 2,100,000 YEN Giapponesi (17,000 Euro)**, ottenuto con la borsa di post dottorato della Japan society for Promotion of Science. Titolo del Progetto: **Engineering of PLP-dependent aminotransferases for production of non-canonical aminoacids.**
- 3- **COOPERINT 2014** ottenuto dall'Università degli Studi di Verona (3000 Euro). Titolo del progetto: **CHI Evolution**

ATTIVITA' EDITORIALE

- **Attività di reviewer** per Frontiers in Molecular Biosciences (Protein Chemistry and Enzymology), Frontiers in Plant Sciences (Plant Proteomics) and Frontiers in Bioengineering and Biotechnology (Bioprocess Engineering).
- **Attività di Guest research Editor** per lo Special Issue "Protein Conformational Plasticity as a Link between Function and Genetics, Environmental and Evolutionary factors" in Protein Chemistry and Enzymology.

CAPITOLI DI LIBRO

- Oppici E*, **Dindo M***, Conter C, Borri Voltattorni C, Cellini B. **"Folding defects leading to Primary Hyperoxaluria"** *Handb Exp Pharmacol*. 2018 (*These authors contributed equally to this work)

PRESENTAZIONI A CONGRESSI E SEMINARI

- 1- **Dindo M.** Testa A, Rebane A, Nasouri B, Style R, Golestanian R, Dufresne E and Laurino P. *Sustained enzymatic activity and Flow in Crowded Protein Droplets* .Molecular Origins of Life 25-27 Agosto 2021
- 2- Pampalone G, Grottelli S, Annunziato G, Pieroni M, **Dindo M**, Costantino G and Cellini B"Identification of pharmacological chaperones for human alanine:glyoxylate aminotransferase as therapeutic strategy for Primary Hyperoxaluria Type I" The 45th FEBS virtual congress, 3-8 July 2021
- 3- Dindo M, Giardina G, Pascarelli S, Chiasserini D, Grottelli S, Uechi GI, Costantini C, Pampalone G, Spizzichino S, Laurino P and B. Cellini. *"Intrinsically disordered regions of alanine:glyoxylate aminotransferase shape its fitness and function"* WebPro, Proteins on the Web, 20-21 Maggio 2021
- 4- **Dindo M**, Oppici E, Ambrosini G, Pey AL, Marrison J, O'Toole P and Cellini B. *"Effects of oligomerization on peroxisomal import and stability of human alanine:glyoxylate aminotransferase"*. FISV 2018, Rome 18-21 Sempember
- 5- **Dindo M**, Oppici E, Ambrosini G, Pey AL, Marrison J, O'Toole P and Cellini B. *"Effects of oligomerization on peroxisomal import and stability of human alanine:glyoxylate aminotransferase"*. Proteine 2018, Verona 28-30 May
- 6- Conter C, **Dindo M** and Cellini B. *"Electrostatic interactions drive native-like aggregation of human alanine:glyoxylate aminotransferase"*. Proteine 2018, Verona 28-30 May
- 7- Conter C, Oppici E, Montioli R, **Dindo M**, Rossi L, Magnani M and Cellini B. *"Erythrocytes as carriers of oxalate decarboxylase: an innovative approach for the treatment of hyperoxaluria"* 12 International Primary Hyperoxaluria Workshop. Tenerife 14-16 July 2017.
- 8- **Dindo M**, Oppici E, Bianchi A and Cellini B. *"Molecular and cellular effects of interfacialmutations of human alanine:glyoxylate aminotransferase leading to Primary Hyperoxaluria Type I and response to coenzyme administration"*. ICC05, Unazuki, Toyama, Japan 4-8 September
- 9- C. Conter, E. Oppici, R. Montioli, **M. Dindo**, L. Rossi, M. Magnani and B. Cellini."OxalateDecarboxylase as new therapeutic agent for the treatment of hyperoxaluria" Proteins Conference 2016, Bologna (Italia) 30 marzo-01 aprile 2016
- 10- Rossignoli G, Montioli R, Paiardini A, Kurian MA, **Dindo M**, Voltattorni CB, Bertoldi M. *"The novel R347G pathogenic mutation of Dopa Decarboxylase: additional insights into enzyme catalysis and deficiency"* Proteins Conference 2016, Bologna (Italia) 30 march-01 april 2016
- 11- M. Kaltenbach, JR. Burke, **M. Dindo**, JP. Noel, DS Tawfik. *"Emergence of enzymatic function in a non-catalytic ancestor: The plant CHI family"* Annual meeting of the Society for Molecular Biology and Evolution,Vienna, July 12-16, 2015

- 12- R. Montioli, **M. Dindo**, A. Giorgetti, S. Piccoli, B. Cellini and Carla Borri Voltattorni. "A comprehensive picture of the mutations associated with aromatic amino acid decarboxylase deficiency: from molecular mechanism to therapy implications" ICC-04 The Fourth International Conference on Cofactors, 25-28 August 2014, Casa Della Musica, University of Parma, Parma, Italy
- 13- R. Montioli, A. Roncador, E. Oppici, G. Mandrile, D.F. Giachino, **M. Dindo**, C. Borri Voltattorni and B. Cellini "S81L and G170R mutations causing Primary Hyperoxaluria Type I in homozygosis and heterozygosis. A positive interallelic complementation" Proteine 2014, Padova 31 Marzo- 1 Aprile 2014
- 14- **M. Dindo**, R. Montioli and C. Borri Voltattorni "Pathogenic variants of residues belonging to loop1 of human dopa decarboxylase share common spectroscopic and catalytic features" 57° National Meeting of the Italian society of Biochemistry and Molecular Biology (SIB) Ferrara 18-20 Settembre 2013
- 15- E. Oppici, R. Montioli, A. Roncador, **M. Dindo**, B. Cellini and C. Voltattorni "The molecular defects of the S250F variant of Dopa Decarboxylase associated with AADC deficiency syndrome" SW02.W10-15 38th FEBS 06-11 July 2013 Saint Petersburg

CORSI

1. SUMMER SCHOOL "PROTOCOL MODELS: COACERVATES AND VESICLES", EVENTO VIRTUALE, MAX PLANCK INSTITUTE OF MOLECULAR CELL BIOLOGY AND GENETICS 05-08/07/2021
2. - 5TH ABIS (ADVANCED LIGHT MICROSCOPY COURSE AT OIST) 25-26 GENNAIO 2020
3. CORSO PROTEINS AS DRUG TARGET, PROTEINS AS DRUG, AND PROTEIN DEGRADATION AS THERAPEUTIC STRATEGY, PARMA, 8 MAGGIO, 2017
4. SUMMER SCHOOL "ENZYME DISCOVERY" PRESSO LAKE COMO SCHOOL OF ADVANCED STUDIES, 22-26/06/2015

PUBBLICAZIONI

Dal 2013 il Dr. Dindo è autore/co-autore di 22 pubblicazioni e 1 capitolo di libro pubblicati in riviste internazionali "peer-reviewed" con 255 citazioni e h-index 9 (Fonte Scopus 15/08/2021). La sottolineatura indica che il Dr. Dindo è autore corrispondente, l'asterisco* che è primo autore.

- 1- **Dindo M***, Pascarelli S, Chiasserini D, Grottelli S, Costantini C, Uechi GI, Giardina G, Laurino P and Cellini B. "Structural dynamics shape the fitness window of alanine:glyoxylate aminotransferase" 2022, **Protein Science**, 31(5), e4303, 2022
- 2- Testa A*, **Dindo M***, Rebane AA, Nasouri B, Style RW, Golestanian R, Dufresne ER and Laurino P. "Sustained Enzymatic Activity and Flow in Crowded Protein Droplets" under review, **Nat Comm** 12, 6293, 2021 (2021 Top 25 Chemistry and Material Sciences Articles for Nature Communication)
- 3- **Dindo M***, Ambrosini G, Oppici E, Pey A.L, O'Toole P.J, Marrison J.L, Morrison I.E.G, Butturini E, Grottelli S, Costantini C and Cellini B. "Dimerization Drives Proper Folding of Human Alanine:Glyoxylate Aminotransferase But Is Dispensable for Peroxisomal Targeting." **J. Pers. Med.** 2021
- 4- Cellini B, Zelante T, **Dindo M**, Bellet MM, Renga G, Romani L, Costantini C. "Pyridoxal 5'-Phosphate-Dependent Enzymes at the Crossroads of Host-Microbe Tryptophan Metabolism" **Int J Mol Sci.** 2020
- 5- Danielson E, **Dindo M**, Porkovich AJ, Kumar K, Wang Z, Jain P, Mete T, Ziadi Z, Kikkeri R, Laurino P and Sowwan M. "Non-enzymatic and highly sensitive lactose detection utilizing graphene field-effect transistors". **Biosensors and Bioelectronics**, 2020
- 6- **Dindo M***, Mandrile G, Conter C, Montone R, Giachino D, Pelle A, Costantini C, Cellini B. "The ILE56 mutation on different genetic backgrounds of alanine: Glyoxylate aminotransferase: Clinical features and biochemical characterization **Mol Genet Metab.** 2020
- 7- Cellini B, Zelante T, **Dindo M**, Bellet MM, Renga G, Romani L, Costantini C. "Pyridoxal 5'-Phosphate-Dependent Enzymes at the Crossroads of Host-Microbe Tryptophan Metabolism" **Int J Mol Sci.** 2020
- 8- Montioli R, Bisello G, **Dindo M**, Rossignoli G, Voltattorni CB, Bertoldi M. "New variants of AADC deficiency expand the knowledge of enzymatic phenotypes" **Arch Biochem Biophys.** 2020
- 9- **Dindo M***, Grottelli S, Annunziato G, Giardina G, Pieroni M, Pampalone G, Faccini A, Cutruzzola F, Laurino P, Costantino G, Cellini B. "Cycloserine enantiomers are reversible inhibitors of human alanine:glyoxylate aminotransferase: implications for Primary Hyperoxaluria type 1" **Biochem J.** 2019

- 10- Jaeger M, Pinelli M, Borghi M, Constantini C, **Dindo M**, van Emst L, Puccetti M, Pariano M, Ricaño-Ponce I, Büll C, Gresnigt MS, Wang X, Gutierrez Achury J, Jacobs CWM, Xu N, Oosting M, Arts P, Joosten LAB, van de Veerdonk FL, Veltman JA, Ten Oever J, Kullberg BJ, Feng M, Adema GJ, Wijmenga C, Kumar V, Sobel J, Gilissen C, Romani L, Netea MG. "A systems genomics approach identifies SIGLEC15 as a susceptibility factor in recurrent vulvovaginal candidiasis" **Science Transl Med**. 2019
- 11- **Dindo M***, Costanzi E, Pieroni M, Costantini C, Annunziato G, Bruno A, Romani L, Zelante T and Cellini B. "Biochemical characterization of *Aspergillus fumigatus* AroH a putative aromatic amino acid aminotransferase". **Frontiers Molec. Biosc** 2018
- 12- Conter C*, Oppici E*, **Dindo M**, Rossi L, Magnani M and Cellini B. "Biochemical properties and oxalate-degrading activity of oxalate decarboxylase from *Bacillus subtilis* at neutral pH". **IUBMB Life** 2018
- 13- **Dindo M***, Conter C, Oppici E, Ceccarelli V, Marinucci L, Cellini B. "Molecular basis of Primary Hyperoxaluria: clues to Innovative treatments" **Urolithiasis**. 2018
- 14- Kaltenbach M*, Burke JR*, **Dindo M**, Pabis A, Munsberg FS, Rabin A, Kamerlin SCL, Noel JP, Tawfik DS. "Evolution of chalcone isomerase from a noncatalytic ancestor" **Nature Chem Biol**. 2018
- 15- **Dindo M***, Oppici E, Dell'Orco D, Montone R, Cellini B, "Correlation between the molecular effects of mutations at the dimer interface of alanine:glyoxylate aminotransferase leading to primary hyperoxaluria type I and the cellular response to vitamin B₆" **Journal of Inherited Metabolic Disease** 2018
- 16- **Dindo M***, Conter C, Cellini B. "Electrostatic interactions drive native-like aggregation of human alanine:glyoxylate aminotransferase". **FEBS J**. 2017
- 17- **Dindo M***, Montioli R, Busato M, Giorgetti A, Cellini B, Borri Voltattorni C. "Effects of interface mutations on the dimerization of alanine glyoxylate aminotransferase and implications in the mistargeting of the pathogenic variants F152I and I244T" **Biochimie**. 2016
- 18- Montioli R, Paiardini A, Kurian MA, **Dindo M**, Rossignoli G, Heales SJ, Pope S, Voltattorni CB, Bertoldi M. "The novel R347G pathogenic mutation of aromatic amino acid decarboxylase provides additional molecular insights into enzyme catalysis and deficiency." **Biochim Biophys Acta**. 2016
- 19- Oppici E*, Montioli R*, **Dindo M**, Cellini B. "Natural and unnatural compounds rescue folding defects of human alanine:glyoxylate aminotransferase leading to Primary Hyperoxaluria Type I" **Curr Drug Targets**. 2016.
- 20- Oppici E, Montioli R, **Dindo M**, Maccari L, Porcari V, Lorenzetto A, Chellini S, Voltattorni CB, Cellini B. "The Chaperoning Activity of Amino-oxycetic Acid on Folding-Defective Variants of Human Alanine:Glyoxylate Aminotransferase Causing Primary Hyperoxaluria Type I" **ACS Chem Biol**. 2015
- 21- Montioli R*, Oppici E*, **Dindo M**, Roncador A, Gotte G, Cellini B, Borri Voltattorni C. "Misfolding caused by the pathogenic mutation G47R on the minor allele of alanine:glyoxylate aminotransferase and chaperoning activity of pyridoxine" **Biochim Biophys Acta**. 2015
- 22- Montioli R, **Dindo M**, Giorgetti A, Piccoli S, Cellini B, Voltattorni CB. "A comprehensive picture of the mutations associated with aromatic amino acid decarboxylase deficiency: from molecular mechanisms to therapy implications". **Hum Mol Genet**. 2014
- 23- R. Montioli, B. Cellini, **M. Dindo**, E. Oppici and C.B. Voltattorni "Interaction of Human Dopa Decarboxylase with L-Dopa: Spectroscopic and Kinetic Studies as a Function of pH," **Biomed Res Int**. 2013
- 24- R. Montioli, E. Oppici, B. Cellini, A. Roncador, **M. Dindo**, C.B. Voltattorni "S250F variant associated with aromatic amino acid decarboxylase deficiency: molecular defects and intracellular rescue by pyridoxine." **Hum Mol Genet** 2013

PREMI E RICONOSCIMENTI

- "Heritage Pride 2020" ricevuto dal SIB (Società Italiana di Biochimica e Biologia Molecolare) ottenuto grazie alla pubblicazione: "Cycloserine enantiomers are reversible inhibitors of human alanine:glyoxylate aminotransferase: implications for Primary Hyperoxaluria type 1" pubblicata su **Biochemical Journal**
- **Travel Award** ricevuto al quinto congresso internazionale "Cofactors and Active Enzyme Molecule (ICC05)"

ATTIVITA' DI DIDATTICA

- **Cultore della materia di Biochimica e Biochimica Generale e Metabolica** per il corso di laurea in Infermieristica e Scienze Motorie e Sportive per Università degli Studi di PERUGIA dal 2018.
- **Corso di preparazione in chimica** per la prova unica di ammissione ai corsi di laurea Magistrale a ciclo unico in Medicina e Chirurgia e in odontoiatria e Protesi Dentaria (2017) Totale 8 ore, Università degli Studi di Verona

Il sottoscritto **Mirco Dindo** dichiara che tutti i fatti riportati nel presente curriculum corrispondono a verità ai sensi e per gli effetti degli artt. 46 e 47 del D.P.R. 445/2000. Il sottoscritto dichiara di essere a conoscenza delle sanzioni penali cui incorre in caso di dichiarazione mendace o contenente dati non più rispondenti a verità, come previsto dall'art. 76 del D.P.R. 28.12.2000, n. 445.

Il sottoscritto dichiara di essere a conoscenza dell'art. 75 del D.P.R. 28.12.2000, n. 445, relativo alla decadenza dai benefici eventualmente conseguenti al provvedimento emanato, qualora l'Amministrazione, a seguito di controllo, riscontri la non veridicità del contenuto della suddetta dichiarazione.