

QUESITO N. 1

Fornire un esempio di tecniche di trascrittomica nell'ambito dello studio delle interazioni tra nutrizione e benessere/salute animale

In quale modo le indagini biomolecolari possono contribuire allo sviluppo di nuove terapie e vaccini in medicina veterinaria?

Discutere dei vantaggi dell'utilizzo della digital PCR rispetto alle metodiche di indagine classiche

Partecipare ai corsi di formazione-informazione relativi ai rischi connessi all'attività svolta è una scelta facoltativa del lavoratore?

Quali sono organi di governo dell'Ateneo di Perugia?

Quale comando di scelta rapida chiude il documento corrente in Word?

Leggere e tradurre il seguente brano in inglese:

"Cells, the basic unit of life, vary widely in shape, size, and gene expression. It is vital to explore the different biological properties of individual cells in complex tissues to understand the process of life activities. The invention of flow cytometry at the end of the 1960s was a major breakthrough in both qualitative and quantitative measurements of cellular characteristics, as well as cell sorting. It remains a widely applied strategy for single-cell analysis and isolation to date. In 1990, polymerase chain reaction was introduced to amplify DNA or RNA in individual cells, providing even more functional information, which further demonstrated that transcriptomic studies on individual cells were feasible. However, this method is limited by amplification bias and low throughput".

omissis

QUESITO N. 2

Fornire un esempio di tecniche di trascrittomica nell'ambito della diagnostica delle malattie infettive

In quale modo le indagini biomolecolari possono contribuire alla medicina personalizzata e quali sono le potenziali implicazioni etiche?

Spiegare la differenza tra quantificazione assoluta e relativa in real time PCR e discuterne l'impiego.

L'alta vigilanza sulle attività di prevenzione e protezione a chi spetta?

Descrivere la composizione del Consiglio di Dipartimento

E' possibile eliminare un'intera colonna di Excel?

Leggere e tradurre il seguente brano in inglese:

The development of first-generation sequencing techniques made significant progress in molecular sequencing technology, but the costs remained high, and the sequencing throughput was low. Next-generation sequencing technologies, such as "sequencing by synthesis" and accelerated parallel sequencing, have successfully overcome the above limitations, and RNA sequencing (RNA-Seq) is the best-known and most commonly used approach to date. RNA-Seq involves total RNA extracted from organs, tissues, or a group of cells, obtaining average transcriptomic data while often masking specific information of individual cells in the population".

omissis