

INFORMAZIONI PERSONALI

Pellanera Fabrizia



📍 (Italia)

OCCUPAZIONE DESIDERATA

Ricerca Scientifica Settore Biomedico

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

31/10/2018–alla data attuale

Specializzazione in Patologia Clinica e Biochimica Clinica
Università dell'Aquila

20/07/2018–alla data attuale

Iscrizione all'Ordine Nazionale dei Biologi
Ordine Nazionale dei Biologi
Iscrizione all'Albo - Sezione A
Num. iscrizione: **AA_080888**

15/12/2017

Master di II livello in Genetica Forense
Università di Tor Vergata, Roma (Italia)

110/110 e lode

04/12/2017

Abilitazione alla professione di Biologo
Università degli Studi de L'Aquila, L'Aquila (Italia)

24/05/2017

Dottorato in Medicina Clinica e Molecolare XXIX Ciclo indirizzo
Biotecnologie nel Trapianto del Midollo Osseo
Università degli Studi di Perugia, Perugia (Italia)
Progetto di ricerca :
The importance of precise diagnosis in Hematology. Personal contributions
Relatore: Prof.ssa Cristina Mecucci
Coordinatore: Prof. Paolo Calabresi

04/04/2016–03/07/2016

Academic Visitor

Laboratorio di Oncologia Molecolare, Dipartimento di Medicina e Chirurgia, Monza (Italia)
Analisi di dati di Exome Sequencing e Whole Genome Sequencing nell'ambito dello studio di pazienti con predisposizione familiare allo sviluppo di leucemie.
Utilizzo delle piattaforme per l'analisi di dati:
- BWA_MEM: algoritmo di allineamento (<http://bio-bwa.sourceforge.net/>)
- CEQer per l'analisi di Exome sequencing e Whole Genome Sequencing (Piazza R et al., Plos One 2013)
- wANNOVAR per l'annotazione delle varianti
(<http://annovar.openbioinformatics.org/en/latest/articles/wANNOVAR/>)

01/09/2014–31/10/2014

Academic Visitor

LLR Molecular Haematology Unit, Nuffield Division of Clinical Laboratory Sciences
Radcliffe Department of Medicine, University of Oxford, Oxford (Regno Unito)

- Target Resequencing su piattaforma Illumina, analisi mutazionale di DNA di pazienti affetti da leucemia mieloide acuta (AML)
- analisi dei dati bioinformatici tramite software Illumina Variant Studio v2.1
- preparazione del campione e analisi di gene expression profile (GEP) su piattaforma Affymetrix
- Western Blotting e Real Time PCR.

27/05/2013 Laurea Quinquennale in Scienze biologiche indirizzo biomolecolare

103/110

Università degli Studi di Perugia, Perugia (Italia)

Tesi sperimentale dal titolo

"Mutazioni ricorrenti nelle neoplasie mieloidi: correlazioni genotipo / fenotipo. Recurrent mutations in myeloid neoplasm: genotype / phenotype correlations"

Relatori: Prof.ssa Cristina Mecucci-Prov. Alessandro Datti.

Parole Chiave: analisi mutazionale di nuovi geni leucemogeni, estrazione acidi nucleici, PCR, DHPLC, Sequenziamento automatizzato

ESPERIENZA PROFESSIONALE

15/05/2018–15/05/2019

Assegnista di ricerca

Università degli Studi di Perugia, Perugia (Italia)

Collaborazione ad attività di ricerca relativa al progetto **"Carta d'identità genomica per la diagnosi delle leucemie"**.

01/04/2017–31/03/2018

Biologo

Università degli Studi di Perugia, Perugia (Italia)

Contratto di collaborazione coordinata e continuativa presso il laboratorio di Medicina Molecolare della Prof.ssa Cristina Mecucci nell'ambito del progetto:

"Avanzamenti diagnostici nelle sindromi mielodisplastiche"

31/10/2013–31/10/2016

Dottorato di ricerca in Medicina Clinica e Molecolare (XXIX ciclo)

Università degli studi di Perugia, Perugia (Italia)

Progetto di Ricerca:

The Importance of precise diagnosis in Hematology. Personal Contributions.

Relatore: Prof.ssa Cristina Mecucci

Coordinatore: Paolo Calabresi

02/07/2012–27/05/2013

Tesista

Laboratorio di Citogenetica e Genetica molecolare, Dipartimento di Medicina, Ospedale Santa Maria della Misericordia, Perugia (Italia)

Genetica delle Emopatie Maligne, analisi mutazionale e molecolare di geni leucemogeni.

Sono state utilizzate le seguenti tecniche:

Lisi dei globuli rossi

Estrazione del DNA

Polymerase Chain Reaction (PCR)

Elettroforesi su gel d'agarosio

Denaturing high-performance liquid chromatography (DHPLC)

Sequenziamento capillare diretto con metodo Sanger (Applied Biosystem 3500)

COMPETENZE PERSONALI

Lingua madre italiano

Lingue straniere

	COMPRESIONE		PARLATO		PRODUZIONE SCRITTA
	Ascolto	Lettura	Interazione	Produzione orale	
inglese	B1	B2	B1	B1	B1
francese	A2	B1	A2	A2	A2

Livelli: A1 e A2: Utente base - B1 e B2: Utente autonomo - C1 e C2: Utente avanzato
 Quadro Comune Europeo di Riferimento delle Lingue

Competenze comunicative

Buone capacità relazionali nelle attività in cui è richiesta la collaborazione di gruppo. Interesse a lavorare anche in ambienti multiculturali che possano incoraggiare nuovi stimoli.

Competenze organizzative e gestionali

Ottime capacità comunicative e predisposizione ai rapporti interpersonali.
 Capacità di gestione di situazioni critiche e problem solving in completa autonomia.

Competenze professionali

Biologia Molecolare

Estrazione e purificazione del DNA (materiale fresco, congelato, FFPE), Conversione del DNA con bisolfito, PCR and primer design, MSP (Methylation - specific PCR), Bisulfite Sequencing, DNA and cDNA cloning, library screening, Trasformazione chimica ed elettroporazione batterica, Estrazione e purificazione del DNA plasmidico, Estrazione, purificazione dell'RNA (materiale fresco, congelato, FFPE), Reverse transcriptase PCR (RT-PCR), Preparazione di campioni per Gene Expression profile su piattaforma Affymetrix, Real time PCR, Western Blotting.

Genomica

Costruzione di mappe geniche, Analisi mutazionale tramite sistema DHPLC (Denaturing High Performance Liquid Chromatography), Sequenziamento Sanger, Allineamento e analisi di sequenze, Disegno e messa a punto di pannelli customizzati di target resequencing, Preparazione di libraries per target resequencing ed exome sequencing su piattaforma Illumina, Analisi di dati NGS mediante software commerciali (Illumina) e non commerciali su riga di comando Unix

Biologia Cellulare

Culture cellulari Primarie (Midollo Osseo e Sangue periferico), Preparazione di terreni di coltura, semina ed espansione di linee cellulari, congelamento e scongelamento, Human colony forming assay (CFC) su terreni di metilcellulosa, Gene editing tramite tecnologia CRISPR/Cas9 su modelli in vitro

Competenze digitali

AUTOVALUTAZIONE				
Elaborazione delle informazioni	Comunicazione	Creazione di Contenuti	Sicurezza	Risoluzione di problemi
Utente avanzato	Utente avanzato	Utente autonomo	Utente avanzato	Utente autonomo

Competenze digitali - Scheda per l'autovalutazione

- Diploma ECDL (European Computer Driving Licence) conseguito il 9 novembre 2010 presso L'Università degli Studi di Perugia

Syllabus 5.0 (Windows XP e Pacchetto Office 2007) :

Modulo 1 – Concetti di base dell'ICT

Modulo 2 – Uso del computer e gestione dei file

Modulo 3 – Elaborazione testi

Modulo 4 – Fogli elettronici

Modulo 5 – Uso delle basi di dati

Modulo 6 – Strumenti di presentazione

Modulo 7 – Navigazione web e comunicazione

- **Conoscenza di base del sistema operativo Ubuntu (LINUX) a interfaccia grafica e a linea di comando e dell'ambiente statistico R**

- **Conoscenza di base delle applicazioni di progettazione grafica(Adobe Illustrator™, PhotoShop™)**

- **Buona conoscenza dei software di registrazione e gestione del suono:**

Logic, Reason, Qbase, Protools (conoscenza di base)

- **Ottima conoscenza di databases di popolazione e degli strumenti bioinformatici :**

Primer3, Ensembl, Clustalw, EditSeq, FinchTV, UniProt, UCSC Genome Browser, NCBI BLAST, Sift, Poliphen, dbSNP(NCBI), HGMD, COSMIC, Applied Biosystems 3500/3500xL Genetic Analyzers, Navigator™ Software (Transgenomic), BWA, Samtools, CEQer, GATK, VarScan, IGV (Integrative Genome Viewer), Variant Studio V2.1 (Illumina), wANNOVAR, GeneSpring (Agilent)

ULTERIORI INFORMAZIONI

Grants

20-05-2014: Vincitrice di Borsa di studio 5X1000 dell'Università degli Studi di Perugia per periodo di formazione all'estero.

Membro del gruppo di lavoro in relazione ai seguenti progetti di ricerca:

- **Regione Umbria – 2013**, Biologo/Borsista “*Sviluppo e applicazioni della diagnosi personalizzata in ematologia e oncologia*” Responsabile: Prof.ssa Cristina Mecucci

- **AIRC 2014** Codice del Progetto : IG:2014 – Internal Collaborator “*Molecular dissection of unknown chromosome rearrangements in human leukemia*” Responsabile: Prof.ssa Cristina Mecucci

- **PRIN: PROGETTI DI RICERCA DI RILEVANTE INTERESSE NAZIONALE 2015** Codice del progetto: 2015MYBYP8 - Stesura del progetto e Dottorando “*Developing precision medicine strategies for myeloid neoplasms*” Responsabile: Prof.ssa Cristina Mecucci

- **FCRP: Fondazione Cassa di Risparmio di Perugia 2016** – Codice del Progetto: 2016.0113.021 Ricerca Scientifica e Tecnologica - Membro Team. “*Diagnosi personalizzata nelle Leucemie Acute Linfoblastiche del bambino e dell'adulto: un ponte indispensabile verso nuove terapie*” Responsabile: Prof.ssa Cristina Mecucci

- **AIRC 5 × 1000 2018-2025** - “Metastatic disease: the key unmet need in oncology” to MYNERVA project, #21267 (MYeloid NEoplasms Research Venture AirC). Stesura del progetto e collaboratore interno Responsabile dell'Unità: Prof.ssa Cristina Mecucci

Pubblicazioni

- Di Battista V*, **Pellanera F***, Crescenzi B, Barba G, Quintini M, Pulvirenti F, Genua A, Colla S, Quinti I, Mecucci C. *Monoallelic TRNT1 variant in an adult patient with SIFD Syndrome and Hematological Malignancies*. Molecular Genetics and Genomic Medicine 2019 (under review)

- Fernandez AGL, Crescenzi B, Pierini V, Di Battista V, Barba G, **Pellanera F**, Di Giacomo D, Roti G, Piazza R, Adelman ER, Figueroa ME, Mecucci C. *A distinct epigenetic program underlies the 1;7 translocation in myelodysplastic syndromes*. Leukemia. 2019 Mar 28.

- Pierini T, Di Giacomo D, Pierini V, Gorello P, Barba G, Lema Fernandez AG, **Pellanera F**, Iannotti T, Falzetti F, La Starza R, Mecucci C. *MYB deregulation from a EWSR1-MYB fusion at leukemic evolution of a JAK2 (V617F) positive primary myelofibrosis*. Mol Cytogenet. 2016 Sep 1;9(1):68

- Di Giacomo D, Pierini V, La Starza R, Borlenghi E, **Pellanera F**, Lema Fernandez AG, Bellotti D, Lamorgese C, Rossi G, Mecucci C. *Involvement of a member of the histone cluster 1 at 6p21 in NUP98-positive MDS/AML. Leuk Lymphoma*. 2017 Nov;58(11):2765-2767

Corsi

Analisi di dati NGS ed applicazioni in ambito diagnostico, IX edizione

Pavia, 21-24 gennaio 2019.

Corso teorico pratico, tenuto dal Dott. Davide Gentilini presso l'Università degli Studi di Pavia, sull'analisi di dati di pannelli di targeted resequencing ed exome sequencing mediante riga di comando Unix.

Corsi **Utilizzo Corretto delle Ultracentrifughe e High Performance, garantendo massima produttività e sicurezza**

17 Ottobre 2018, presso C.R.E.O. AZIENDA OSPEDALIERA PERUGIA P.LE MENGHINI 8-9 SANT'ANDREA DELLE FRATTE, PERUGIA.

Corso teorico sull'utilizzo delle Ultracentrifughe e High Performance , tenuto da Valerio Silei , Supervisor Centrifugation Beckman-Coulter.

Corsi **Il ruolo del biologo nel processo penale**

Roma 12 Novembre 2017 - LegalGenetics ,Via F. Cesi, 21.

DOCENTI: Dott.ssa Marina Baldi GENETISTA FORENSE, Avv. Serena Gasperini AVVOCATO, Dott. Nicola Caprioli CRIMINALISTA.

Corsi **Corso teorico-pratico per l'uso di HiSeq2500 system di Illumina, 4-6 maggio 2016 presso il C.R.E.O., Ospedale Santa Maria della Misericordia, Perugia.**

Corso teorico-pratico sull'utilizzo del sistema HiSeq2500, dalla preparazione dei campioni all'analisi primaria dei dati, tenuta da il Dr. Simone Cani, Field Application Scientist per Illumina Italia.

Corsi **Corso teorico-pratico per l'uso del MiSeq system di Illumina, 17-18 marzo 2016 presso il C.R.E.O., Ospedale Santa Maria della Misericordia, Perugia.**

Corso teorico-pratico sull'utilizzo del sistema MiSeq, dalla preparazione dei campioni all'analisi primaria dei dati, tenuta da il Dr. Simone Cani, Field Application Scientist per Illumina Italia.

Corsi **1st Introductory Course in Bioinformatics, Perugia 7-11 ottobre 2013**

Presso il Polo d'innovazione Genomica, Genetica e Biologia Società consortile R.L.

- Introduction to the use of IT tools and Bioinformatics
- DNA sequence analysis and similarity searches
- Bio-databases (emphasis on genome databases, e.g. ENSEMBL)
- Ontologies (esp. the Gene Ontology/GO)
- Genome projects
- Next generation sequencing (NGS)
- Gene expression and RNA profiling (microarrays and RNA-seq)
- Structural Biology
- Population genetics (use of polymorphisms)

Conferenze **Poster :**

- FAMILIAL TIN2 N-TERMINAL LOSS OF FUNCTION MUTATION IN TELOMERE SYNDROME. Di Giacomo D, Nofrini V , Iannotti T, Quintini M , **Pellanera F** , Barba G, Matteucci C, Ballanti S, Piazza S, Mecucci C. 22nd Congress of European Hematology Association (EHA), Madrid 22-25 June 2017.

- GENETIC AND EPIGENETIC LANDSCAPE OF dic(1;7)(q10;p10) IN AML/MDS. Lema Fernandez AG, Crescenzi B, Pierini V, Barba G, **Pellanera F**, Di Giacomo D, Piazza R, Di Battista V, Adelman E, Figueroa ME, Mecucci C. Gordon Research Conference, Cancer Epigenetics: Mutations, Functions, and Therapies, Lucca (IT) April 23 - 28, 2017

Certificazioni **Attestato di qualifica professionale di tecnico del suono specializzato in registrazione ed eventi live (art.14 della L. 848/78) PG 06.03.33.046**

L'intero percorso formativo ha avuto la durata di 400 ore, di cui 200 ore di teoria e pratica e 200 ore di stage/tirocinio pratico.

Gli argomenti trattati sono:

- LA SICUREZZA E LA PREVENZIONE 23 ORE
- PREDISPORRE LA STRUMENTAZIONE 90 ORE
- LA RIPRESA SONORA AGENDO SUL SEGNALE 55 ORE
- AGIRE SUL SUONO 32 ORE
- LA REGISTRAZIONE (con utilizzo dei software : Logic, Reason, Qubase e ProTools su piattaforma Microsoft e Mac OS) 100 ORE
- DIFFUSIONE DEL SUONO 100 ORE

TIROCINIO FORMATIVO E STAGE

Il percorso di tirocinio pratico - della durata complessiva di 200 ore - è stato svolto in collaborazione con: Set Music Service, Music Europa, Cooperativa teatrale ATMO, Musical Box, Norman e il Presidente e l'Officina.

Il corso di è svolto dai mesi di Aprile-Novembre 2007 ed è stato gestito dall' Associazione FORMA.AZIONE/Aris formazione e ricerca, Regione Umbria, Provincia di Perugia, Unione Europea (F.S.E)

Trattamento dei dati personali

Autorizzo il trattamento dei miei dati personali ai sensi del Decreto Legislativo 30 giugno 2003, n. 196 "Codice in materia di protezione dei dati personali.